

FORMATO EUROPEO  
PER IL CURRICULUM  
VITAE



INFORMAZIONI PERSONALI

Nome  
Indirizzo  
Telefono  
E-mail  
  
Nazionalità  
Data di nascita

**FIANNACA ANTONINO**  
**VIA ANDROMEDA 35, 92010 REALMONTE (AG)**  
**3200969201**  
**antonino.fiannaca@gmail.com, PEC: antonino.fiannaca@ingpec.eu**

Italiana  
14/05/1981

ESPERIENZA LAVORATIVA

- Date (da – a)
- Nome e indirizzo del datore di lavoro
- Tipo di azienda o settore
- Tipo di impiego
- Principali mansioni e responsabilità

**09/12/2018 – ADESSO**

Istituto di calcolo e reti ad alte prestazioni (ICAR), Centro Nazionale delle Ricerche (CNR), via Ugo La Malfa 153, 90146 Palermo

Ente pubblico di Ricerca

Ricercatore tempo indeterminato.

Attività di ricerca in intelligenza artificiale e machine learning con applicazioni in bioinformatica e system biology; analisi di dati NGS; tecniche per l'integrazione di database biologici.

- Date (da – a)
- Nome e indirizzo del datore di lavoro
- Tipo di azienda o settore
- Tipo di impiego
- Principali mansioni e responsabilità

**09/12/2013 – 08/12/2018**

Istituto di calcolo e reti ad alte prestazioni (ICAR), Centro Nazionale delle Ricerche (CNR), via Ugo La Malfa 153, 90146 Palermo

Ente Pubblico di Ricerca

Ricercatore tempo determinato. **Protocollo:** ICAR-CNR-ICAR n.0003033 del 28/11/2013

Attività di ricerca in intelligenza artificiale e machine learning con applicazioni in bioinformatica e system biology; analisi di dati NGS; tecniche per l'integrazione di database biologici

Partecipazione al Progetto "MIRCO – MicroRna in Clinica Oncologica", Programma Operativo Regionale FESR Sicilia 2007/2013 – Linea di Intervento 4.1.1.1.

OR2: Progettazione dell'architettura di sistema per l'archiviazione, elaborazione e fruizione dati

OR3: Progettazione delle procedure per l'elaborazione dei dati.

Partecipazione al Progetto PON04a2\_C "Smarth Health Cluster OSDH - Smart FSE - STAYWELL", OR1: "Piattaforma abilitante del Fascicolo Sanitario", OR5: "Fascicolo Sanitario Elettronico di 2a generazione", OR16: "Sperimentazione Sicilia".

- Date (da – a)
- Nome e indirizzo del datore di lavoro
- Tipo di azienda o settore
- Tipo di impiego
- Principali mansioni e responsabilità

**17/05/2011 – 16/05/2012**

Istituto di calcolo e reti ad alte prestazioni (ICAR), Centro Nazionale delle Ricerche (CNR), viale delle Scienze, 90128 Palermo

Ricerca e sviluppo

Assegnista di Ricerca. **Protocollo:** ICAR-CNR-ICAR n.0000640 del 16/05/2011

Ambito del programma di ricerca: "Analisi intelligente dei dati per la bioinformatica".

Mi sono occupato della creazione di un tool che sfrutta le reti neurali auto-organizzanti per la

classificazione di dati biologici. Inoltre ho continuato a lavorare al DSS sviluppato durante il dottorato di ricerca ed a tecniche alignment-free per realizzare gli alberi filogenetici dei batteri.

- Date (da – a)
    - Nome e indirizzo del datore di lavoro
    - Tipo di azienda o settore
    - Tipo di impiego
  - Principali mansioni e responsabilità
- 01/01/2008 – 31/12/2010**  
Università di Palermo, viale delle Scienze, 90128 Palermo
- Ricerca e sviluppo  
Dottorando di ricerca  
Attività di ricerca in intelligenza artificiale: progettazione e sviluppo di un sistema di supporto alle decisioni per la Bioinformatica e la System Biology.  
Tesi di dottorato dal titolo: "Development of a Decision Support System for Bioinformatics. Extraction of Protein Complexes from a Protein-Protein Interaction Network: a case study."
- 
- Date (da – a)
    - Nome e indirizzo del datore di lavoro
    - Tipo di azienda o settore
    - Tipo di impiego
  - Principali mansioni e responsabilità
- 18/12/2006 – 31/12/2007**  
Istituto di calcolo e reti ad alte prestazioni (ICAR), Centro Nazionale delle Ricerche (CNR), viale delle Scienze, 90128 Palermo
- Ricerca e sviluppo. **Protocollo** Attestato: ICAR-CNR-ICAR n.0000484 del 21/04/2011  
Borsa di studio nel programma di specializzazione di giovani ricercatori nel settore delle tecnologie della informazione e della comunicazione (ICT) e loro applicazioni, codice progetto 1999/IT.16.1.PO.011/3.13/7.2.4/342
- attività di ricerca in intelligenza artificiale con applicazioni in bioinformatica. Studio di tecniche di machine learning, clustering e classificazione su dati biologici
- 
- Date (da – a)
    - Nome e indirizzo del datore di lavoro
    - Tipo di impiego
  - Principali mansioni e responsabilità
- 30/09/2010 – 31/10/2020**  
Comune di Realmonte – Via Roma , 17 – Realmonte (AG)
- Collaboratore Esterno  
Progettazione, realizzazione, revisione e manutenzione del portale web istituzionale e dell'Albo Pretorio Online del Comune di Realmonte.
- 
- Date (da – a)
    - Nome e indirizzo del datore di lavoro
    - Tipo di azienda o settore
    - Tipo di impiego
  - Principali mansioni e responsabilità
- 01/01/2010 – 31/12/2010**  
Istituto di calcolo e reti ad alte prestazioni (ICAR), Centro Nazionale delle Ricerche (CNR), viale delle Scienze, 90128 Palermo
- Ricerca e sviluppo  
Associato in attività di ricerca. **Protocollo** Attestato: ICAR-CNR-ICAR n.0000487 del 21/04/2011  
Clustering e classificazione su dati biologici usando misure di similarità basate su compressione
- 
- Date (da – a)
    - Nome e indirizzo del datore di lavoro
    - Tipo di azienda o settore
    - Tipo di impiego
  - Principali mansioni e responsabilità
- 08/05/2008 – 31/12/2008**  
Istituto di calcolo e reti ad alte prestazioni (ICAR), Centro Nazionale delle Ricerche (CNR), viale delle Scienze, 90128 Palermo
- Ricerca e sviluppo  
Associato in attività di ricerca. **Protocollo** Attestato: ICAR-CNR-ICAR n.0000486 del 21/04/2011  
Progettazione e sviluppo di un sistema di supporto alle decisioni in bioinformatica e system biology
- 
- Date (da – a)
    - Nome e indirizzo del datore di lavoro
    - Tipo di azienda o settore
    - Tipo di impiego
  - Principali mansioni e responsabilità
- 01/07/2007 – 01/04/2008**  
Lemonit s.r.l. – Via Piersanti Mattarella, 115 - Agrigento
- Settore: Informatica e servizi  
Collaboratore Esterno  
Ho lavorato in qualità di ingegnere progettista alla realizzazione di un software di gestione e catalogazione per cartolibrerie

- Date (da – a)
- Nome e indirizzo del datore di lavoro
  - Tipo di azienda o settore
  - Tipo di impiego
- Principali mansioni e responsabilità

## ISTRUZIONE E FORMAZIONE

- Date (da – a)
- Nome e tipo di istituto di istruzione o formazione
  - Principali materie / abilità professionali oggetto dello studio

- Qualifica conseguita
- Livello nella classificazione nazionale (se pertinente)

- Date (da – a)
- Nome e tipo di istituto di istruzione o formazione
  - Principali materie / abilità professionali oggetto dello studio
    - Qualifica conseguita
  - Livello nella classificazione nazionale (se pertinente)

- Date (da – a)
- Nome e tipo di istituto di istruzione o formazione
  - Principali materie / abilità professionali oggetto dello studio
    - Qualifica conseguita
  - Livello nella classificazione nazionale (se pertinente)

- Date (da – a)
- Nome e tipo di istituto di istruzione o formazione
  - Principali materie / abilità professionali oggetto dello studio
    - Qualifica conseguita
  - Livello nella classificazione nazionale (se pertinente)

- Date (da – a)
- Nome e tipo di istituto di istruzione o formazione
  - Principali materie / abilità professionali oggetto dello studio

**10/10/2005 – 20/03/2006**

University of Konstanz (D)

Università di Costanza

Studente ricercatore di Bioinformatica (PART-TIME)

Ho lavorato come studente ricercatore (part-time) presso il dipartimento di “Bioinformatics and Information Mining” dell’Università di Costanza, in Germania. Durante questo periodo ho sviluppato una applicazione di data mining nel campo della chemio-informatica per il Workflow Management System (KNIME) ideato all’università di Costanza.

01/01/2008 – 14/04/2011

Dipartimento di Ingegneria Informatica (DINFO), Università degli studi di Palermo

Progettazione e sviluppo di sistemi esperti di supporto alle decisioni; attività di ricerca in intelligenza artificiale con applicazioni in bioinformatica e system biology.

Titolo della tesi: Development of a Decision Support System for Bioinformatics. Extraction of Protein Complexes from a Protein-Protein Interaction Network: a case study

**Dottore di Ricerca in Ingegneria Informatica**

08/10/2010

Ordine degli Ingegneri di Agrigento

Iscrizione all’Ordine degli Ingegneri di Agrigento

Sezione A, settori a,b,c

08/10/2010

Orsa Consulting S.R.L.

Workshop su “Tecniche di base di Computer Forensics”

Attestato di partecipazione al workshop

Ottobre 2005 – Aprile 2006

Bioinformatica, Università di Costanza (D)

Durante il semestre presso l’università, ho seguito il corso di Data Mining ed ho affrontato uno studio nel campo della chemio-informatico utilizzando tecniche di machine learning, finalizzato alla informatizzazione del processo farmaceutico di sintesi di medicinali.

Settembre 1999 – Aprile 2006

Ingegneria Informatica, Università degli studi di Palermo

Argomento della tesi: Ho svolto una tesi sperimentale che si inquadra nell’ambito di un progetto di ricerca volto ad accelerare, mediante tecniche di Knowledge Discovery e Data Mining, il processo farmaceutico di sintesi di medicinali. Nella fattispecie l’obbiettivo prefisso è quello di realizzare una applicazione in grado di individuare e raggruppare i composti chimici che godono

di caratteristiche simili. Allo scopo di realizzare quanto detto è stata implementata una apposita rete neurale auto-organizzante che è in grado di produrre, in tempi ragionevoli, un clustering del dataset in ingresso.

- Qualifica conseguita
- Livello nella classificazione nazionale (se pertinente)

**Dottore Magistrale in Ingegneria Informatica**

voto: 110/110 e lode

- Date (da – a)

Settembre 1994 – Luglio 1999

- Nome e tipo di istituto di istruzione o formazione

Liceo Scientifico "Leonardo" - Agrigento

- Principali materie / abilità professionali oggetto dello studio

.

- Qualifica conseguita
- Livello nella classificazione nazionale (se pertinente)

**Diploma di Maturità Scientifica**

voto: 100/100

## CAPACITÀ E COMPETENZE

### PERSONALI

*Acquisite nel corso della vita e della carriera ma non necessariamente riconosciute da certificati e diplomi ufficiali.*

#### MADRELINGUA

#### ALTRE LINGUA

- Capacità di lettura
- Capacità di scrittura
- Capacità di espressione orale

## CAPACITÀ E COMPETENZE

### RELAZIONALI

*Vivere e lavorare con altre persone, in ambiente multiculturale, occupando posti in cui la comunicazione è importante e in situazioni in cui è essenziale lavorare in squadra (ad es. cultura e sport), ecc.*

## CAPACITÀ E COMPETENZE

### ORGANIZZATIVE

*Ad es. coordinamento e amministrazione di persone, progetti, bilanci; sul posto di lavoro, in attività di volontariato (ad es. cultura e sport), a casa, ecc.*

### Capacità e competenze tecniche

Con computer, attrezzature specifiche, macchinari, ecc.

## CAPACITÀ E COMPETENZE

### ARTISTICHE

*Musica, scrittura, disegno ecc.*

## ALTRE CAPACITÀ E COMPETENZE

*Competenze non precedentemente indicate.*

## PATENTE O PATENTI

### ITALIANO

### INGLESE

ECCELLENTE

ECCELLENTE

BUONO

Ottime capacità relazionali ed attitudine al lavoro di gruppo conseguite sia durante la preparazione universitaria (tesine), ma soprattutto durante la mia attività nei gruppi di ricerca all'ICAR-CNR e all'Università.

Ottime capacità relazionali in ambienti internazionali e multiculturali grazie alla partecipazione a numerosi convegni e conferenze sia in Italia che all'estero.

Capacità di suddivisione e organizzazione del lavoro in gruppi sviluppata durante la mia attività di ricerca all'icar e all'università

DAL 24/11/2009 AL 12/06/2011

Ho ricoperto la carica di Vice Presidente dell'Associazione Culturale Nuova Agorà - Via Po' 3, Realmonte (AG)

Oltre a collaborare alla realizzazione di tutti gli eventi promossi dall'associazione, dirigeva il bollettino interno aperiodico dell'associazione culturale, chiamato "La Voce dell'Agorà".

Computer science: Sistemi Intelligenti, Reti neurali, Data Mining, DSS, WFMS.

Ambienti di Sviluppo: Eclipse, Joomla CMS, Protege.

DataBase: MySQL

Linguaggi: Php/html, C/C++, Java, Jess, R, Python, SQL, LISP, PROLOG, LEX, YACC, UML.

Altro: Sviluppo Siti Web, application server.

IDE: Eclipse, Rstudio

Patente A, B

**Lista Pubblicazioni Scientifiche prodotte durante l'attività di ricerca:**

1. VACCA D, FIANNACA A, TRAMUTO F, CANCELILA V, et al. (2020)  
Direct RNA nanopore sequencing of SARS-CoV-2 extracted from critical material from swabs, medRxiv
2. URSO A, FIANNACA A, LA ROSA M, LA PAGLIA L, RIZZO R (2020)  
BITS2019: the sixteenth annual meeting of the Italian society of bioinformatics, BMC bioinformatics 21 (8), 1-10
3. BOSCAINO V, FIANNACA A, LA PAGLIA L, LA ROSA M, RIZZO R, URSO A (2019)  
MiRNA therapeutics based on logic circuits of biological pathways, BMC bioinformatics 20 (9), 1-22
4. FIANNACA A, LA ROSA M, LA PAGLIA L, URSO A (2018)  
miRTissue: a web application for the analysis of miRNA-target interactions in human tissues, BMC bioinformatics 19 (15), 61-71
5. URSO A, FIANNACA A, LA ROSA M, RAVI' V, RIZZO R (2018)  
Data mining: Predictions methods, Encyclopedia of Bioinformatics and Computational Biology.
6. FIANNACA A, LA PAGLIA L, LA ROSA M, RENDA G, RIZZO R, GAGLIO S, URSO A (2018)  
Deep learning models for bacteria taxonomic classification of metagenomic data, BMC bioinformatics 19 (7), 61-76
7. URSO A, FIANNACA A, LA ROSA M, RAVI' V, RIZZO R (2018)  
Data mining: Classification and prediction, Encyclopedia of Bioinformatics and Computational Biology.
8. FIANNACA A, LA ROSA M, LA PAGLIA L, MESSINA A, RIZZO R, URSO A (2017)  
A Problem-Driven Approach for Building a Bioinformatics GraphDB, Lecture Notes in Computer Science, vol.10477, p. 134-144.
9. FIANNACA A, LA PAGLIA L, LA ROSA M, MESSINA A, RIZZO R, STABILE D, URSO A (2017)  
Gremlin Language for Querying the BiographDB Integrated Biological Database, Lecture Notes in Computer Science, vol.10208, p. 303-313.
10. FIANNACA A, LA ROSA M, LA PAGLIA L, LO BOSCO G, GAGLIO S, RIZZO R, URSO A (2017)  
Metagenomic analysis by bacterial short reads classification with deep network model, Proceeding of BITS 2017, p. 168-170.
11. FIANNACA A, LA ROSA M, LA PAGLIA L, RIZZO R, URSO A (2017)  
NRC: Non-coding RNA Classifier based on structural features, BioData mining, vol.10, 2017
12. Fontana I, Giacalone G, Bonanno A, Mazzola S, Basilone G, Genovese S, Aronica S, Pissis S, Iliopoulos C, Kundu R, Fiannaca A, Langiu A, Lo Bosco G, La Rosa M, Rizzo R (2017)  
Pelagic Species Identification by Using a PNN Neural Network and Echo-Sounder Data, Proceeding of ICANN 2017
13. MESSINA A, FIANNACA A, LA PAGLIA L, LA ROSA M, URSO A (2017)  
Querying and analyzing biological data with BioGraph, proceeding of NETTAB 2017, ISSN: 2167-8359
14. FIANNACA A, LA ROSA M, LA PAGLIA L, RIZZO R, URSO A (2016). MiRNATIP: a

- SOM-based miRNA-target interactions predictor, BMC Bioinformatics, vol.17, 2016
15. FIANNACA A, LA ROSA M, LA PAGLIA L, MESSINA A, RIZZO R, URSO A (2016). BioGraphDB: a new graphDB collecting heterogeneous data for bioinformatics analysis, Proceedings of BIOTECHNO 2016, pp. 28-34, ISBN: 978-1-61208-488-6
  16. FIANNACA A, LA ROSA M, LA PAGLIA L, RIZZO R, URSO A (2016). Design of a relational DB in clinical practice for storage and management of miRNA expression profiles, Rapporto tecnico ICAR-CNR n. RT-ICAR.PA-16-05, 2016
  17. FIANNACA A, LA PAGLIA L, LA ROSA M, MESSINA A, STORNILO P, URSO A (2016). Integrated DB for bioinformatics: a case study on analysis of functional effect of miRNA SNPs in cancer. Proceeding of ITBAM 2016
  18. FIANNACA A, LA PAGLIA L, LA ROSA M, MESSINA A, STABILE D, RIZZO R, URSO A (in press). Gremlin language for querying the BiographDB integrated biological database, Proceedings of International Work-Conference on Bioinformatics and Biomedical Engineering (IWBBIO 2017)
  19. RIZZO R, FIANNACA A, LA ROSA M, URSO A (2016). Classification Experiments of DNA Sequences by Using a Deep Neural Network and Chaos Game Representation. Proceeding of CompSysTech 2016 Winner of the best paper award.
  20. FIANNACA A, LA ROSA M, LA PAGLIA L, RIZZO R, URSO A (2016). miRNAs differential expression analysis in healthy and BC patients subjected to a different dietary treatment, and investigation of their functional role by functional enrichment analysis, Rapporto tecnico ICAR-CNR n. RT-ICAR.PA-16-04, 2016
  21. FIANNACA A, LA ROSA M, RIZZO R, URSO A (2015), A k-mer-based barcode DNA classification methodology based on spectral representation and a neural gas network, Artificial Intelligence in Medicine, vol. 64, n.3, p. 173-185, ISSN: 0933-3657
  22. LA ROSA M, FIANNACA A, RIZZO R, URSO A (2015). Probabilistic topic modeling for the analysis and classification of genomic sequences, BMC Bioinformatics, vol. 16, Suppl. 6, p. S2, ISSN: 1471-2105
  23. FIANNACA A, LA ROSA M, LA PAGLIA L, RIZZO R, URSO A (2015). Analysis of miRNA Expression Profiles in Breast Cancer Using Biclustering, BMC Bioinformatics, vol. 16, Suppl.4, p. S7, ISSN: 1471-2105
  24. FIANNACA A, LA PAGLIA L, LA ROSA M, MESSINA A, RIZZO R, STORNILO P, TRIPICIANO M, VAGLICA S, URSO A (2015). A biclustering approach for the analysis of miRNA expression profiles, Proceedings of Meeting di Biotecnologie IBIM-CNR, p. 46, ISBN: 9788890580581
  25. FIANNACA A, LA PAGLIA L, LA ROSA M, MESSINA A, RIZZO R, STORNILO P, TRIPICIANO M, VAGLICA S, URSO A (2015). MiRNATIP: miRNA-Target Interaction Predictor, Proceedings of Meeting di Biotecnologie IBIM-CNR, p. 30-31, ISBN: 9788890580581
  26. FIANNACA A, LA ROSA M, URSO A (2015). Sistema adattivo, che integra un motore inferenziale a regole, per la presentazione di contenuti dinamici su dispositivi mobili e sviluppo di un client dedicato, Rapporto tecnico ICAR-CNR n. RT-ICAR.PA-15-03, 2015
  27. RIZZO R, FIANNACA A, LA ROSA M, URSO A, (2015). DNA Barcode Classification Using General Regression Neural Network with Different Distance Models, Proceedings of CIBB 2015, ISBN: 978-3-319-23496-0
  28. LA ROSA M, FIANNACA A, RIZZO R, URSO A (2015). DNA Barcode Classification

Using General Regression Neural Network with Different Distance Models,  
Mathematical Models in Biology, p. 119-132, ISBN: 978-3-319-23496-0

29. RIZZO R, FIANNACA A, LA ROSA M, URSO A, (2015). The General Regression Neural Network to Classify Barcode and mini-barcode DNA, LECTURE NOTES IN COMPUTER SCIENCE, vol. 8623, p. 142-155, ISBN: 978-3-319-24461-7.
30. FIANNACA A, MESSINA A, STORNILO P, URSO A (2014). Fascicolo Sanitario Elettronico di seconda generazione: nodi aggregati specializzati e sistema di autorizzazione/autenticazione, Rapporto tecnico ICAR-CNR n. RT-ICAR.PA-14-04, 2014
31. FIANNACA A, LA ROSA M, DI FATTA, G, GAGLIO S, RIZZO R, URSO A (2014). The BioDICE Taverna plugin for clustering and visualization of biological data: a workflow for molecular compounds exploration, Journal of Cheminformatics, vol.6, n.1, p. 173-184, ISSN: 1758-2946
32. LA ROSA M, FIANNACA A, RIZZO R, URSO A (2014). Genomic Sequence Classification using Probabilistic Topic Modeling, LECTURE NOTES IN COMPUTER SCIENCE, vol. 8452, p. 49-61, ISBN: 978-3-319-09041-2
33. FIANNACA A, LA ROSA M, RIZZO R, URSO A, GAGLIO S (2014). Knowledge organization for modelling workflows in Taverna environment, Proceedings of IEEE 22nd Mediterranean Conference of Control and Automation (MED), p. 972-077, ISBN: 978-1-4799-5900-6
34. RIZZO R, FIANNACA A, LA ROSA M, URSO A, (2014), The General Regression Neural Network to Classify Barcode and mini-barcode DNA. Proceedings of CIBB 2014, ISBN: 9788890643743
35. FIANNACA A, LA ROSA M, RIZZO R, URSO A, GAGLIO S (2014). An Expert System Hybrid Architecture to Support Experiment Management. Expert systems with applications, vol. 41, n. 4, p. 1609-1621, ISSN: 0957-4174
36. FIANNACA A, LA ROSA M, RIZZO R, URSO A (2013). Analysis of DNA Barcode Sequences Using Neural Gas and Spectral Representation, Engineering Applications of Neural Networks (EANN), Communications in Computer and Information Science, vol. 384, p. 212-221, ISBN: 978-3-642-41015-4, doi: 10.1007/978-3-642-41016-1\_23
37. FIANNACA A, DI FATTA G, RIZZO R, URSO A, GAGLIO S (2013). "Simulated annealing technique for fast learning of SOM networks". Neural Computing and Applications, 22(5), 889-899.
38. LA ROSA M, FIANNACA A, RIZZO R, URSO A (2013). Genomic Sequence Classification using Probabilistic Topic Modeling, Proceedings of CIBB 2013, ISBN: 978-88-906437-2-9
39. FIANNACA A, LA ROSA M, RIZZO R, URSO A (2013). A preliminary study on Spectral Representation Analysis for Classification of DNA Barcode Sequences, Proceedings of PRIB 2013, ISBN: 978-88-906437-3-6
40. LA ROSA M, FIANNACA A, RIZZO R, URSO A (2013). A Study of Compression-Based Methods for the Analysis of Barcode Sequences. Computational Intelligence Methods for Bioinformatics and Biostatistics, LECTURE NOTES IN COMPUTER SCIENCE, vol. 7845, p. 105-116, ISBN: 978-3-642-38341-0, doi: 10.1007/978-3-642-38342-7\_10
41. LA ROSA M, FIANNACA A, RIZZO R, URSO A (2013). Alignment-free analysis of barcode sequences by means of compression-based methods. BMC Bioinformatics, vol. 14 (Suppl.7), p. S4, doi: 10.1186/1471-2105-14-S7-S4
42. FIANNACA A, LA ROSA M, RIZZO R, URSO A, GAGLIO S, (2013). A knowledge-based decision support system in bioinformatics: an application to protein complex extraction. BMC Bioinformatics, vol. 14 (Suppl.1), p. S5, doi: 10.1186/1471-2105-14-S1-S5



43. FIANNACA A, GAGLIO S, LA ROSA M, RIZZO R, URSO A (2012). An ontological-based knowledge organization for bioinformatics workflow management system. EMBNET NEWS, vol. 18(B); p. 110-112, ISSN: 1023-4144
44. LA ROSA M, FIANNACA A, RIZZO R, URSO A (2012). Analysis of barcode sequences by means of compression-based methods. EMBNET NEWS, vol. 18(A); p. 92-, ISSN: 1023-4144
45. FIANNACA A, GAGLIO S, LA ROSA M, RIZZO R, URSO A (2012). An Intelligent System for Building Bioinformatics Workflows. In: Sixth International Conference on Complex, Intelligent, and Software Intensive Systems (CISIS). Palermo, Italy, 04-06 luglio 2012, p. 212-218, ISBN/ISSN: 978-0-7695-4687-2, doi: 10.1109/CISIS.2012.141
46. FIANNACA A, LA ROSA M, RIZZO R, URSO A, GAGLIO S (2012). An Ontology Design Methodology for Knowledge-Based Systems with Application to bioinformatics. In: 2012 IEEE Symposium on Computational Intelligence in Bioinformatics and Computational Biology (CIBCB), p. 85-91, ISBN/ISSN: 978-1-4673-1190-8, doi: 10.1109/CIBCB.2012.6217215
47. FIANNACA A, LA ROSA M, RIZZO R, URSO A (2012). A Study of Compression-Based Methods for the Analysis of Barcode Sequences. Proceedings of CIBB 2012 ISBN: 978-88-906437-1-2
48. FIANNACA A, LA ROSA M, RIZZO R, URSO A, GAGLIO S (2011). Design and Development of a Knowledge-Based Expert System for Bioinformatics, Technical Report, RT-ICAR.PA-11-01
49. FIANNACA A, GAGLIO S, LA ROSA M., PERI D, RIZZO R, URSO A (2011). A Knowledge Based Decision Support System for Bioinformatics and System Biology (Revised Selected Papers). LECTURE NOTES IN COMPUTER SCIENCE, vol. 6685; p. 215-228, ISSN: 0302-9743
50. FIANNACA A, LA ROSA M., PERI D, RIZZO R (2011). An Intelligent System for Decision Support in Bioinformatics. ERCIM NEWS, vol. 84; p. 35-36, ISSN: 0926-4981
51. FIANNACA A, GAGLIO S, LA ROSA M., PERI D, RIZZO R, URSO A (2010). A Proposed Knowledge Based Approach for Solving Proteomics Issues (Revised Selected Papers). LECTURE NOTES IN COMPUTER SCIENCE, vol. LNCS 6160; p. 304-318, ISSN: 0302-9743, doi: 10.1007/978-3-642-14571-1
52. FIANNACA A, GAGLIO S, LA ROSA M., PERI D, RIZZO R, URSO A (2010). A Knowledge Based Decision Support System for Bioinformatics and System Biology. In: Proceedings of CIBB 2010. Palermo, Italy, 16-18 September 2010, ISBN/ISSN: 978-88-95272-87-0
53. FIANNACA A, GAGLIO S, LA ROSA M., PERI D, RIZZO R, URSO A (2009). A Proposed Knowledge Based Approach for Solving Proteomics Issues. In: Proceedings of CIBB 2009. Genova, Italy, 15-17 Ottobre 2009, vol. 3, ISBN/ISSN: 978-88-903537-2-7
54. FIANNACA A, GAGLIO S, LA ROSA M., PERI D, RIZZO R, URSO A (2009). A Decision Support System for Reverse Engineering Gene Regulatory Networks. In: Proceedings of SysBioHealth Symposium 2009. Milano, Italy, November, 25-27 2009, p. 81-83
55. FIANNACA A, DI FATTA G, RIZZO R, URSO A, GAGLIO S. (2009). "A Clustering Quality and Topology Preservation in Fast Learning SOMs". NEURAL NETWORK WORLD, vol. 19, 2009.
56. FIANNACA A, DI FATTA G, URSO A, RIZZO R, GAGLIO S. (2009). "A New Linear Initialization in SOM for Biomolecular Data". BERLIN: Springer, vol. LNBI 5488, pp. 177-187, 2009. ISBN: 978-3-642-02503-7

57. FIANNACA A, DI FATTA G, RIZZO R, URSO A, GAGLIO S. (2008) "Clustering Quality and Topology Preservation in Fast Learning SOMs". In: 18th International Conference on Artificial Neural Networks. Prague, Czech Republic, 3-6/09/2008
58. FIANNACA A., DI FATTA G, URSO A, RIZZO R, GAGLIO S (2008). A New Linear Initialization in SOM for Biomolecular Data. Proceedings of the CIBB 2008. Vietri sul Mare, Salerno (Italy), 3-4 October 2008, SALERNO: Masulli, vol. 2, ISBN/ISSN: 978-88-903537-1-0
59. FIANNACA A, RIZZO R, URSO A, GAGLIO S. (2008). "A New SOM Initialization Algorithm for Nonvectorial Data". In: Knowledge-Based Intelligent Information and Engineering Systems. Zagreb, Croatia, 3-5/09/2008
60. FIANNACA A, RIZZO R, URSO A, GAGLIO S. (2008). "Self Organizing Maps for Visual Exploration of Molecular Databases". In: SysBioHealth Symposium 2007. Milano, Italy, 16-19/10/2007
61. FIANNACA A, DI FATTA G, GAGLIO S, RIZZO R, URSO A (2007). "Improved SOM Learning Using Simulated Annealing". In: LNCS - Artificial Neural Networks – ICANN 2007. Porto, Portugal, 9-13/09/2007
62. FIANNACA A, DI FATTA G, GAGLIO S, RIZZO R, URSO A (2007). Evaluating Clustering Performances of FLSOM Algorithm, Rapporto Tecnico N.: RT-ICAR-PA-07-03
63. FIANNACA A, DI FATTA G, RIZZO R, URSO A, GAGLIO S. (2007). "Fast Training of Self Organizing Maps for the Visual Exploration of Molecular Compounds". In: IJCNN 2007. Orlando, Florida, 12-17/08/2007
64. URSO A, FIANNACA A, GAGLIO S, LA ROSA M., RIZZO R, GIAMMANCO G. M (2007). Use of Soft Topographic Maps for Clustering Bacteria on the basis of their 16S rRNA gene sequence. In: BITS Meeting. Napoli, 26-28 aprile 2007, p. 25
65. DI FATTA G, FIANNACA A, RIZZO R, URSO A, BERTHOLD M, GAGLIO S. (2006). "Context-Aware Visual Exploration of Molecular Datab". In: ICDM Workshops 2006. Sixth IEEE International Conference on Data Mining. Hong Kong, 18-22/12/2006

## ULTERIORI INFORMAZIONI

### Partecipazione come relatore a conferenze internazionali

International Joint Conference on Neural Network Applications in Bioinformatics (ICANN 2007), Orlando, Florida, 16/08/2007.

International Conference on Artificial Neural Network (ICANN 2007), Porto, Portugal, 12/09/2007.

12th International Conference on Knowledge-Based and Intelligent Information & Engineering Systems (KES 2008), Zagreb, Croatia, 03/09/2008.

IEEE Symposium on Computational Intelligence in Bioinformatics and Computational Biology (CIBCB 2012), San Diego, California, USA, 11/05/2012.

International Conference on Complex, Intelligent, and Software Intensive Systems (CISIS 2012), Palermo, Italy, 05/07/2012.

Tenth International Meeting on Computational Intelligence Methods for Bioinformatics and Biostatistics (CIBB 2013), June 20-22, 2013, Nice, France.

Mediterranean Conference of Control and Automation (MED14), June 16-19, 2014, Palermo, Italy

Bioinformatics Italian Society, BITS 2015, June 3-5, 2015, Milano, Italy

NETTAB 2015, October 14-16, 2015, Bari, Italy.

Bioinformatics Italian Society, BITS 2016, June 15-17, 2016, Salerno, Italy

Bioinformatics Italian Society, BITS 2018, June 27-29, 2018, Turin, Italy

### Partecipazione come relatore a conferenze nazionali

13° Congresso nazionale dell'Associazione Italiana di Telemedicina ed Informatica Medica (@ITIM2013), Ischia, Napoli, 14/06/2013

### Program Committee di conferenze internazionali

International conference on computational science (ICCS) 2019, Faro, Portugal, 12-14 June 2019

IEEE International Conference on Computational Intelligence in Bioinformatics and Computational Biology (CIBCB 2017), Manchester, UK, 23-25 August 2017

International Workshop on Methods, tools & platforms for Personalized Medicine in the Big Data Era (NETTAB 2017), Palermo, Italy, 16-18 October 2017

10th IAPR International Conference on Pattern Recognition in Bioinformatics" (PRIB 2016), Cancun, Mexico. 1-3 December 2016

IEEE International Conference on Computational Intelligence in Bioinformatics and Computational Biology (CIBCB 2016), Chiang Mai, Thailand, 5-7 October 2016

8th IAPR International Conference on Pattern Recognition in Bioinformatics" (PRIB 2013), Nice, France. 17-20 June 2013

### Referaggio di articoli scientifici per riviste internazionali

Bioinformatics, BMC Bioinformatics, Scientific reports, Artificial Intelligence in Medicine, BioSystems, Algorithms, ncRNA, Journal of Theoretical Biology, Information Sciences, Oncotarget, Computational Intelligence and Neuroscience, Breast Cancer Research, Computational and Structural Biotechnology, BMC Medical Informatics and Decision Making, Medical & Biological Engineering & Computing

## DATI PERSONALI

Autorizzo il trattamento dei miei dati personali ai sensi del Decreto Legislativo 30 giugno 2003, n.196 "Codice in materia di protezione dei dati personali"



## ALTRI TITOLI

### Corsi di alta formazione con esame finale

Tipologia di corso: Dottorato di ricerca in Ingegneria Informatica
Sede di svolgimento: Università di Palermo
Durata del corso dal: 01/01/2008 a 31/12/2010
Data esame finale se previsto: 14/04/2011
Votazione e/o valutazione conseguiti: titolo di dottore di ricerca in Ingegneria Informatica
Altre informazioni

Tipologia di corso: International School of Mathematics "Guido Stampacchia", workshop on optimization machine learning and bioinformatics.
Sede di svolgimento: Fondazione Ettore Majorana, Erice (TP)
Durata del corso dal: 08/09/2010 a 16/09/2010
Data esame finale se previsto:
Votazione e/o valutazione conseguiti: attestato di partecipazione alla Scuola
Altre informazioni

### Responsabilità di progetto scientifico all'interno di un progetto

Ruolo svolto: <b>Responsabile Attività di Ricerca</b>
Titolo progetto: Programma Operativo Regionale FESR Sicilia 2007/2013 – Linea di Intervento 4.1.1.1 - Progetto "MIRCO – MicroRna in Clinica Oncologica"
Tipologia/finanziamento: POR Regione Siciliana
Importo totale finanziamento 2.127.056,00 (euro)
Importo finanziamento per Unità Operativa: 288.450,00
n. contratto:
n. protocollo: ICAR-CNR-ICAR N.0001101
Data: 10/09/2020
Altri partner italiani o stranieri del progetto: Laboratorio di Ricerche Dott. Nicola Locorotondo (Capofila)
Finalità del progetto: Analisi di espressione di miRNA differenzialmente espressi in campioni ematici e tissutali di soggetti sani ed affetti da carcinoma della mammella trattati con diverso trattamento alimentare. Progettazione dell'architettura di sistema per l'archiviazione, elaborazione e fruizione dati risultanti dalle analisi predette
Periodo di attività dal 04/2014 al 12/2015
Risultati ottenuti: Progettazione di un database SQL per la memorizzazione e la fruizione dei dati dei pazienti coinvolti nello studio, con particolare attenzione ai dati grezzi di sequenziamento del trascrittoma, ai profili dei microRNA (miRNA), alle informazioni istologiche dei tessuti, ai miRNA differenzialmente espressi rispetto al controllo e ad eventuali biomarcatori legati a patologie
Altre informazioni: Responsabile attività OR2.2 - Progettazione dell'architettura di sistema per l'archiviazione, elaborazione e fruizione dati

### Partecipazione a progetto scientifico

Ruolo svolto: <b>Partecipante progetto</b>
Titolo progetto: Corso di Formazione post laurea per Ricercatori Progettisti e Sviluppatori di Applicazioni ICT per SMART-CITIES (II edizione)
Tipologia/finanziamento: Progetto POR Regione Siciliana
Importo totale finanziamento: € 524,676.92
Importo finanziamento per Unità Operativa: € 524,676.92 (ICAR sede di Palermo)
n. contratto

n. protocollo: ICAR-CNR-ICAR N.0000556
data: 02/03/2018
Nominativo coordinatore del progetto: Ing. Salvatore Lopes, (ICAR sede di Palermo)
Altri partner italiani o stranieri del progetto
Finalità del progetto: Rafforzare l'occupabilità nel sistema di R&S e la nascita di spin-off di ricerca in Sicilia tramite l'accrescimento delle competenze della forza lavoro e l'agevolazione della mobilità e l'inserimento/reinserimento lavorativo
Periodo di attività dal 11/2017 al 08/2019
Attività svolta: Tutoraggio borsisti
Risultati ottenuti: Nei mesi successivi alla fine del progetto di formazione, buona parte dei borsisti formati ha sviluppato competenze tali da permettergli di trovare occupazione nell'ambito ricerca e sviluppo dell'ICT.
Altre informazioni

<b>Ruolo svolto: Partecipante Progetto</b>
Titolo progetto: PON R&C 2007-2013 - Asse II - Sostegno all'Innovazione - Obiettivo operativo - Azioni integrate per lo sviluppo sostenibile e per lo sviluppo della società dell'Informazione - Smart Cities and Communities and Social innovation - Avviso D.D. 84/Ric. del 2 marzo 2012 - Progetto PON04a2_C "Smarth Health Cluster OSDH - Smart FSE - STAYWELL"
Tipologia/finanziamento: PON MIUR
Importo totale finanziamento: 45.000.000,00 (euro)
Importo finanziamento per Unità Operativa: 228.592,00 (ICAR sede di Palermo)
n. contratto:
n. protocollo: ICAR-CNR-ICAR N.0000220
Data: 23/01/2014
Nominativo coordinatore del progetto: Engineering Ingegneria Informatica S.p.A. e NoemaLife S.p.A. (Responsabili di Progetto)
Altri partner italiani o stranieri del progetto
Finalità del progetto: creazione di un'infrastruttura tecnologica innovativa, anche in ambiente Cloud, sulla quale sviluppare diversi servizi ad alto valore aggiunto per consentire l'attivazione di nuovi modelli di attività nell'area della salute e del benessere. Progettazione, sviluppo e sperimentazione di sistemi innovativi per la sanità elettronica.
Periodo di attività dal 12/2013 al 12/2015
Attività svolta: <ul style="list-style-type: none"> <li>A1.1 - Analisi dello stato dell'arte</li> <li>A1.2 - Analisi dei Requisiti</li> <li>A1.3 - Definizione dell' Architettura</li> <li>A5.1 - Analisi e realizzazione di un FSE di 2nda gen compatibile con specifiche InFSE</li> <li>A16.1 - Pianificazione e Progettazione della Sperimentazione in Regione Sicilia</li> <li>A16.2 - Esecuzione della Sperimentazione in Regione Sicilia</li> <li>A16.3 - Valutazione della Sperimentazione in Regione Sicilia</li> </ul>
Risultati ottenuti: In accordo con le linee guida AgID in materia di Fascicolo Sanitario Elettronico, sono stati sviluppati nuovi servizi per la gestione del consenso all'alimentazione e consultazione del Fascicolo del cittadino e per la sicurezza della trasmissione e storage delle informazioni. Allo scopo di ottimizzare la ricerca ed il recupero dei documenti sanitari tramite il Portale FSE2.0, sono stati messi a punto i servizi di ricerca ed estrazione di documenti dall'infrastruttura di Fascicolo.
Altre informazioni

<b>Ruolo svolto: Partecipante Progetto</b>
Titolo progetto: Programma Operativo Regionale FESR Sicilia 2007/2013 - Linea di Intervento 4.1.1.1 - Progetto "MIRCO - MicroRna in Clinica Oncologica"
Tipologia/finanziamento: POR Regione Siciliana
Importo totale finanziamento 2.127.056,00 (euro)
Importo finanziamento per Unità Operativa: 288.450,00
n. contratto:
n. protocollo: ICAR-CNR-ICAR N.0001479
Data 26/04/2016
Nominativo coordinatore del progetto: Laboratorio di Ricerche Dott. Nicola Locorotondo (Capofila)
Altri partner italiani o stranieri del progetto:
Finalità del progetto: Analisi di espressione di miRNA differenzialmente espressi in campioni ematici e tissutali di

soggetti sani ed affetti da carcinoma della mammella trattati con diverso trattamento alimentare. Progettazione dell'architettura di sistema per l'archiviazione, elaborazione e fruizione dati risultanti dalle analisi predette
Periodo di attività dal 04/2014 al 12/2015
Attività svolta: A2.2 - Progettazione dell'architettura di sistema per l'archiviazione, elaborazione e fruizione dati A3.1 - Progettazione delle procedure per l'elaborazione dei dati
Risultati ottenuti: Sono stati evidenziati cluster specifici di miRNA differenzialmente espressi in sottoclassi di soggetti sia sani che affetti da patologia tumorale mammaria trattati con diverso trattamento alimentare, sono stati inoltre evidenziati targets specifici legati ai suddetti clusters di miRNA per i quali è stata effettuata un'analisi di enrichment funzionale, al fine di valutare le relazioni tra miRNA-targets-Pathways e sottoclassi di pazienti. Progettazione di un database SQL per la memorizzazione e la fruizione dei dati dei pazienti coinvolti nello studio, con particolare attenzione ai dati grezzi di sequenziamento del trascrittoma, ai profili dei microRNA (miRNA), alle informazioni istologiche dei tessuti, ai miRNA differenzialmente espressi rispetto al controllo e ad eventuali biomarcatori legati a patologie
Altre informazioni

<b>Ruolo svolto: Partecipante Progetto</b>
Titolo progetto: Fondo per le agevolazioni alla ricerca D.M. 593 8/8/2000 – Art. 9 – Progetto “FRASI: FRamework for Agent-based Semantic-aware Interoperability”
Tipologia/finanziamento: MIUR
Importo totale finanziamento 5.703.368,00 (euro)
Importo finanziamento per Unità Operativa 627.600,00
n. contratto
n. protocollo ICAR-CNR-ICAR N.0000556
Data 10/09/2020
Nominativo coordinatore del progetto: "Consorzio Sirio Sinergie per l'Innovazione nella Ricerca, nella Industria e nelle Organizzazioni" Palermo (Main partner)
Altri partner italiani o stranieri del progetto:
Finalità del progetto: Architettura di riferimento per la definizione di sistemi software dinamici e collaborativi, componibili e configurabili ad-hoc, dotati di capacità introspettiva, basati su agenti per la gestione e la fruizione intelligente di informazioni e servizi in maniera globale ed integrata.
Periodo di attività dal 05/2011 al 06/2012
Attività svolta: A5.3.1 - Problematiche relative all'utilizzo di terminali mobili come dispositivi per la fruizione e la fornitura di informazioni e servizi in ambienti collaborativi ed emergenti. A7.4.1 – Protocolli e Algoritmi per la Comunicazione Adattiva.
Risultati ottenuti: OR5: Sono state messe in evidenza le problematiche e le soluzioni più diffuse riguardanti la progettazione di reti wireless ad hoc (Mobile Ad hoc Network – MANET), evidenziando le differenze e i vantaggi derivanti dall'utilizzo di un'infrastruttura dinamica e decentralizzata. Con riferimento alla condivisione di informazioni e contenuti in ambienti distribuiti e mobili è stato studiato il modello di architettura peer-to-peer, ed uno dei più diffusi protocolli p2p, ovvero il BitTorrent. Sono state analizzate le principali caratteristiche del Mobile IP. È stata condotta una panoramica dei principali framework di sviluppo per le piattaforme mobili più diffuse quali iOS, Android. OR7: È stato realizzato un prototipo costituito da un client su dispositivo Android e un web service che implementa un modulo di adattamento basato su un sistema esperto a regole. Il prototipo permette di effettuare un adattamento dinamico della modalità di presentazione dell'informazione in base ai segnali rilevati dal client, quali ad esempio posizione, velocità e luminosità
Altre informazioni

<b>Ruolo svolto: Partecipante Progetto</b>
Titolo progetto: Progetto INT.P02 - Bioinformatica
Tipologia/finanziamento: Progetto interdepartimentale CNR
Riferimenti: <a href="http://www.cnr.it/commesse/ModuloPersNonCnr.html?id_mod=6139&amp;esercizio_persest=2007">http://www.cnr.it/commesse/ModuloPersNonCnr.html?id_mod=6139&amp;esercizio_persest=2007</a>
Nominativo coordinatore del progetto: ITB-CNR, Prof. Luciano Milanesi

Finalità del progetto: Costituire un network fra i gruppi di ricerca afferenti a diversi Dipartimenti di ricerca, al fine di sviluppare temi di ricerca comuni nell'ambito della Bioinformatica. Intraprendere in modo coordinato una serie d'attività indirizzate allo sviluppo di nuove ed avanzate ricerche nell'ambito della Bioinformatica e Informatica Biomedica. Consentire un costante aggiornamento delle conoscenze in un settore altamente innovativo come quello della Bioinformatica applicata all'analisi Genomica e Proteomica.
Periodo di attività dal 2007 al 2013
Attività svolta: partecipazione al modulo INT.P02.007 - "Analisi intelligente dei dati per la bioinformatica"
Risultati ottenuti: Sviluppo di un sistema di workflow management per lo studio di problemi sperimentazione scientifica in ambito genomico e proteomico. Implementazione e sperimentazione dell'infrastruttura tecnologica del fascicolo sanitario elettronico. Sviluppo del Fascicolo Sanitario Elettronico di seconda generazione. Messa a punto di software per test e validazione di algoritmi di clusterizzazione e di classificazione di dati in ambito biomedico e bioinformatico.
Altre informazioni

<b>Ruolo svolto: Partecipante Progetto</b>
Titolo progetto: Progetto ICT.P08 - Data Mining, Ontologie e Web Semantico
Tipologia/finanziamento: Progetto dipartimentale CNR
Riferimenti: <a href="http://www.cnr.it/commesse/ModuloPersNonCnr.html?id_mod=2054&amp;esercizio_persest=2007">http://www.cnr.it/commesse/ModuloPersNonCnr.html?id_mod=2054&amp;esercizio_persest=2007</a>
Nominativo coordinatore del progetto: ISTI-CNR, Dr. Carlo Meghini
Finalità del progetto: Stabilire un network di eccellenze nelle tecnologie di conoscenza a livello nazionale, con un'adeguata massa critica per fronteggiare le sfide emergenti - promuovere e diffondere la tecnologia della conoscenza come fattore dirompente di vasto impatto sociale ed economico - facilitare il trasferimento delle tecnologie della conoscenza verso la pubblica amministrazione ed il settore industriale.
Periodo di attività dal 2007 al 2007
Attività svolta: partecipazione al modulo ICT.P08.003.001- F.A.C.I.L.E. - Framework ad agenti cognitivi per la gestione e fruizione intelligente di informazioni sensoriali, conoscenze e servizi avanzati
Risultati ottenuti: Architetture cognitive basate sugli spazi concettuali nell'ambito dell'apprendimento automatico per imitazione. Sistema completo di interpretazione di frasi del linguaggio dei segni basato sull'estrazione delle caratteristiche del moto di mani e viso e loro classificazione mediante mappe auto-organizzanti e un motore ontologico di senso comune. Implementazione di agenti conversazionali (chat-bot) il cui funzionamento si basa su meccanismi di pattern matching. Metodologie di rappresentazione sub-simbolica della conoscenza ed in particolare basate sul paradigma di analisi della semantica latente (LSA). Metodologie di progettazione Agent-Oriented basate su meta-modello del sistema ad agenti per la selezione/assemblaggio delle varie parti di processo, basato su concetti di workflow management, con l'uso di un'ontologia e di un sistema esperto. Reti neurali per lo sviluppo di sistemi di visualizzazione per grandi insiemi di dati complessi, reti neurali ad impulsi.
Altre informazioni

#### **Attività didattica, di diffusione scientifica e di formazione dei giovani alla ricerca**

Denominazione: Ente Comune di Realmonte (AG)
Sede: Via Roma 17, Comune di Realmonte (AG)
Tipologia di corso: attività di formazione
Materia di insegnamento: Tecnologie e strumenti informatici
Periodo di attività dal 14/04/2015 al 31/08/2015 ore complessive: 32
Atto formale di conferimento: lettera di incarico
nr. protocollo 4682/2015 del Comune di Realmonte (AG)
Data 02/05/2015
Altre informazioni

Denominazione: Corsi di formazione presso il CNR
Sede: AREA della Ricerca di Napoli
Tipologia di corso: evento formativo nazionale "Interomics Tutorial Day"

Materia di insegnamento: tutorial su Metodi e tecniche alignment-free per l'analisi delle sequenze di barcode, analisi statistica con R ed utilizzo del tool R-Studio.
Periodo di attività dal 14/11/2013 al 14/11/2013 ore complessive: 3
Atto formale di conferimento: lettera di incarico
nr. protocollo AMMCNT-CNR N.0005560
Data: 22/01/2014
Altre informazioni:

**Partecipazione a Commissioni, Commissioni di valutazione (referaggio), Gruppi di Lavoro, od altri Organismi di natura tecnico-scientifica ed organizzativa**

Tipologia: <b>Commissione</b>
Descrizione: Commissione per selezione bandi N.1/2019/ICAR/PA e N.2/2019/ICAR/PA
Finalità: Procedura comparativa per il conferimento di n.2 incarichi di prestazione d'opera in regime di collaborazione
Ruolo svolto: Membro
Attività svolta:
Periodo di attività dal 30/04/2019 al 23/05/2019
n. protocollo: ICAR-CNR-ICAR. N.0000739
Data: 30/04/2019
Obiettivi raggiunti
Altre informazioni

Tipologia: <b>Commissione</b>
Descrizione: Commissione per selezione bando N. ICAR-PA-001-2017
Finalità: Conferimento borse formazione post laurea per Progettisti e Sviluppatori di Applicazioni ICT per SMART-CITIES & Communities
Ruolo svolto: Membro supplente
Attività svolta:
Periodo di attività dal 26/01/2018 al 12/02/2018
n. protocollo: ICAR-CNR-ICAR. N. 0000221
Data: 26/01/2018
Obiettivi raggiunti
Altre informazioni

Tipologia: <b>Organismi di natura tecnico-scientifica ed organizzativa</b>
Descrizione: Società di Bioinformatica Italiana - BITS
Finalità: "Main goals of the associations are the study, development and spreading of Bioinformatics in a scientific, academic, technological and industrial environment."
Ruolo svolto: Membro
Attività svolta: Socio Ordinario
Periodo di attività dal 2017 in corso
n. protocollo: non disponibile (lista dei soci della società non più disponibile sul sito istituzionale <a href="https://bioinformatics.it/">https://bioinformatics.it/</a> )
Data: 17/07/2017
Obiettivi raggiunti

Tipologia: <b>Commissione</b>
Descrizione: Commissione di concorso bando ICAR-003-2016-PA
Finalità: Concorso per conferimento n.2 assegni di ricerca
Ruolo svolto: Membro
Attività svolta:
Periodo di attività dal 02/05/2016 al 09/06/2016
n. protocollo: ICAR-CNR-ICAR. N.0001569
Data: 02/05/2016



Obiettivi raggiunti
---------------------

Tipologia: <b>Commissione</b>
Descrizione: Commissione di concorso bando ICAR-001-2015-PA
Finalità: Conferimento n.1 assegni di ricerca
Ruolo svolto: Membro supplente
Attività svolta:
Periodo di attività dal 10/06/2015 al 02/07/2015
n. protocollo: ICAR-CNR-ICAR. N. 0002263
Data: 10/06/2015
Obiettivi raggiunti

Tipologia: <b>Commissione</b>
Descrizione: Commissione di concorso bando ICAR-008-2014-PA
Finalità: Concorso per conferimento n.1 assegni di ricerca
Ruolo svolto: Membro
Attività svolta:
Periodo di attività dal 29/07/2014 al 02/09/2014
n. protocollo: ICAR-CNR-ICAR. N.0002555
Data: 29/07/2014
Obiettivi raggiunti
Altre informazioni

Tipologia: <b>Gruppo di Lavoro</b>
Descrizione: partecipazione a gruppo di Lavoro: "Strategia Regionale dell'Innovazione per la Specializzazione Intelligente 2014-2020"
Finalità: Predisporre la Strategia regionale dell'innovazione per la Specializzazione Intelligente (Smart Specialisation Strategy - S3 Sicilia 2014-2020).
Ruolo svolto: Esperto
Attività svolta: Contributo alla definizione delle linee tematiche "Scienze della vita" e "Smart Cities and Communities".
Periodo di attività dal 01/2013 al 07/2014
Riferimento: pubblicazione sulle attività ISBN: 9788889375167
Data: 2015
Obiettivi raggiunti: La Regione Siciliana ha scelto di utilizzare un metodo basato sulla scoperta e sulla partecipazione di attori dell'innovazione, anche potenziali, esponenti dei settori scientifici e tecnologici, e dell'innovazione produttiva e sociale della regione. Sono stati attivati sei tavoli tematici quanti gli ambiti strategici prioritari individuati dalla Regione e condivisi dal partenariato (Agroalimentare, Scienze della vita, Energia, Economia del mare, Turismo-Cultura-Beni culturali, Smart Cities and Communities).
Altre informazioni

Tipologia: <b>Organismi di natura tecnico-scientifica ed organizzativa</b>
Descrizione: Technical Committee on PatternRecognition for Bioinformatics (IAPR TC-20)
Finalità: "Bring together pattern recognition scientists and life scientists to find solutions to problems in bioinformatics, and foster multidisciplinary research in the pattern recognition community."
Ruolo svolto: Membro
Periodo di attività dal 2013 al 2016
riferimento: <a href="http://iaprtc20.mosuma.org/?q=node/2">http://iaprtc20.mosuma.org/?q=node/2</a>
Data: 26/07/2013
Obiettivi raggiunti

Tipologia: <b>Organismi di natura tecnico-scientifica ed organizzativa</b>
Descrizione: International Neural Network Society (INNS)

Finalità: "Learn about breakthroughs in the understanding of artificial and biological neural networks; discover techniques for the application of neurocomputing techniques to your area of expertise; meet others who share your professional and scientific interests through the flagship conference in neural networks."
Ruolo svolto: Membro Studente (n.3926)
Periodo di attività dal 2007 al 2008
riferimento: non disponibile (lista dei vecchi soci non disponibile sul sito <a href="https://www.inns.org/">https://www.inns.org/</a> )
Data: 12/08/2007
Obiettivi raggiunti
Altre informazioni

### **Partecipazione a Comitati di Redazione di riviste e giornali scientifici nazionali o internazionali; Editor di special issues**

Descrizione rivista: BMC Bioinformatics
Ruolo svolto: Guest Editor di Special Issue
Periodo di attività dal 25-07-2019 a in corso
Riferimento contratto: DocuSign Envelope ID:4341867A-597E-4F0B-83FC-F91FF38198FD
Data: 25-07-2019
Altre informazioni: "BITS2019: the sixteenth annual meeting of the Italian Society of Bioinformatics", BMC Bioinformatics Supplement, in press

Descrizione rivista: BMC Bioinformatics
Ruolo svolto: Associate Editor di Special Issue
Periodo di attività dal 05-03-2018 al 18-04-2019
Riferimento: <a href="https://bmcbioinformatics.biomedcentral.com/articles/10.1186/s12859-019-2681-0">https://bmcbioinformatics.biomedcentral.com/articles/10.1186/s12859-019-2681-0</a>
Data: 05-03-2018
Altre informazioni: "The 2017 Network Tools and Applications in Biology (NETTAB) workshop: aims, topics and outcomes", BMC Bioinformatics, vol. 20, Supplement 4

### **Presidenza o altro ruolo decisionale in congressi o eventi scientifici nazionali o internazionali**

Ruolo svolto: Organizzatore - General chair
Titolo dell'evento: BITS 2019 - 16th Annual Meeting of the Bioinformatics Italian Society
Luogo: Palermo, Italy
Data 26-28/06/2019 riferimenti: protocollo ICAR-CNR-ICAR N.0001089 del 2020
Obiettivi: supervisione e coordinamento scientifico del convegno
Altre informazioni: sito web dell'evento: <a href="http://bioinformatics.it/bits2019">http://bioinformatics.it/bits2019</a>

Ruolo svolto: Organizzatore - Local chair
Titolo dell'evento: NETTAB 2017 - 17th Workshop on Network Tools and Applications for Biology
Luogo: Palermo
Data 16-18/10/2017 riferimenti: protocollo ICAR-CNR-ICAR N. 0002885 del 2017
Obiettivi: coordinamento locale dell'evento
Altre informazioni: sito web dell'evento: <a href="http://www.igst.it/nettab/2017">http://www.igst.it/nettab/2017</a>

### **Premi e/o Riconoscimenti nazionali ed internazionali assegnati da Istituzioni scientifiche di particolare rilevanza e prestigio**

Tipologia premio e/o riconoscimento: "The Best Paper" Award
Assegnato da: Conferenza internazionale "CompSys 2016"
data o anno di assegnazione: 24/06/2016
Altre informazioni: Titolo del paper: " Classification Experiments of DNA Sequences by Using a Deep Neural Network and Chaos Game Representation"

### **Program Chair di conferenze nazionali e internazionali**

Descrizione conferenza: BITS meeting 2019
Luogo Palermo
Periodo di attività dal 06/2018 al 06/2019
Altre informazioni: riferimenti: protocollo ICAR-CNR-ICAR N.0001089 del 2020

